

Modulo di richiesta analisi patologie oncoematologiche

U.O. Richiedente:		(Etichetta con dati anagrafici paziente)	
Medico Richiedente			
Data:			
Paziente	<input type="checkbox"/> Esterno (impegnative)	<input type="checkbox"/> Ricoverato - DH	<input type="checkbox"/> Altra ULSS (autorizzazione alla spesa)
Materiale inviato	<input type="checkbox"/> Sangue midollare	<input type="checkbox"/> Sangue Periferico	<input type="checkbox"/> Altro:
Quesito clinico:		Marcatore molecolare noto:	
Fase di Malattia:	<input type="checkbox"/> Esordio	<input type="checkbox"/> Monitoraggio (concordare con lab.)	<input type="checkbox"/> Ricaduta
Analisi Richieste (per ciascun campione inserire la prestazione 91.36.1)		Analisi disponibili per patologia	
<input type="checkbox"/> Cariotipo (91.33.5 + 91.31.3)		Leucemia Acuta Mieloide:	
<input type="checkbox"/> FISH (91.37.3 x ciascuna sonda)		Diagnosi: cariotipo, FISH KMT2A, FISH MECOM, BCR::ABL, RUNX1::RUNX1T1, CBFβ::MYH11, FLT3-ITD, FLT3-TKD, pannello traslocazioni AMLPlex, CGH Array, MLPA, NGS mieloide, NGS fusioni,	
<input type="checkbox"/> BCR::ABL (diagnosi 91.36.5 +91.29.4 x2, MRD 91.36.5 +91.29.3 +91.29.4 x2)		Monitoraggio: traslocazione nota, IDH1/2, NGS mieloide pre e +90 BMT	
<input type="checkbox"/> RUNX1::RUNX1T1 (diagnosi 91.36.5+91.29.4x2, MRD 91.36.5 +91.29.3+91.29.4 x2)		Leucemia Acuta Linfoblastica:	
<input type="checkbox"/> PML::RARα (diagnosi 91.36.5 +91.29.4 x2, MRD 91.36.5 +91.29.3 +91.29.4 x2)		Diagnosi: cariotipo, FISH KMT2A, BCR::ABL, NGS fusioni	
<input type="checkbox"/> PLZF::RARα (91.36.5 +91.29.3 x 2)		Monitoraggio: BCR::ABL	
<input type="checkbox"/> CBFβ::MYH11 (diagnosi 91.36.5 +91.29.4 x2, MRD 91.36.5 +91.29.3 +91.29.4 x2)		Leucemia Mieloide Cronica:	
<input type="checkbox"/> NPM1 (diagnosi 91.36.5 +91.29.4 x2, MRD 91.36.5 +91.29.3 +91.29.4 x2)		Diagnosi: cariotipo, BCR::ABL	
<input type="checkbox"/> FLT3-ITD (91.36.5 +91.29.4 x 2)		Monitoraggio: cariotipo, BCR::ABL	
<input type="checkbox"/> FLT3-TKD (91.36.5 +91.29.3 x 2, +91.30.3 x 2)		Mielodisplasia o Aplasia Midollare:	
<input type="checkbox"/> AMLplex (91.36.5_0 x1 91.29.3_0 x11)		Diagnosi: cariotipo, NGS Mieloide, CGH array, MLPA	
<input type="checkbox"/> JAK2 V617F (91.36.5 +91.29.4 x2)		Neoplasia Mieloproliferativa Cronica:	
<input type="checkbox"/> JAK2 ex12 (91.36.5 +91.29.4 x2)		Diagnosi poliglobulia: JAK2 V617F, JAK2 ex.12	
<input type="checkbox"/> CALR (91.36.5 +91.29.4 x2)		Diagnosi non poliglobulia: cariotipo, JAK2 V617F, CALR, MPL, NGS mieloide	
<input type="checkbox"/> MPL (91.36.5 +91.29.4 x2)		Sindrome Ipereosinofila:	
<input type="checkbox"/> KIT D816V (91.36.5 +91.29.3 +91.29.4 x2)		Diagnosi: cariotipo, FISH riarrangiamenti di PDGFRα, FISH riarrangiamenti di PDGFRβ, FISH riarrangiamenti di FGFR1 e FISH PMC1::JAK2, NSG Mieloide, NGS fusioni	
<input type="checkbox"/> IDH1/2 (MRD 91.36.5 +91.29.3 +91.29.4 x2)		Mieloma Multiplo:	
<input type="checkbox"/> TP53 (91.36.5 +91.30.3 x8)		Diagnosi: FISH riarrangiamento IgH e eventuale identificazione: t(4;14), t(14;16), t(11;14), FISH 1q, FISH 17p, MLPA	
<input type="checkbox"/> MYD88 (91.36.5 +91.29.3 x2)		Leucemia Linfatica Cronica:	
<input type="checkbox"/> Riarrangiamento geni Ig (91.36.5 +91.29.3x2 +91.29.4 x2)		Diagnosi: stato mutazionale geni IGHV	
<input type="checkbox"/> Riarrangiamento geni TCR (91.36.5 +91.29.3x1 +91.29.4 x1)		Pretrattamento: TP53, CGH array	
<input type="checkbox"/> Stato mutaz. IGHV (91.36.5 +91.29.3x2 +91.29.4 x2, 91.30.3 x2)		Linfoma non-Hodgkin o Malattia Linfoproliferativa:	
<input type="checkbox"/> CGH Array (91.36.5 + 91.37.2 x 6)		Diagnosi: riarrangiamento geni Ig o TCR	
<input type="checkbox"/> MLPA (91.36.5 + 91.29.1 x 3)		Mastocitosi Sistemica:	
<input type="checkbox"/> NGS mieloide (91.36.5 + 91.30.3 x 15)		Diagnosi: KIT D816V, NGS mieloide	
<input type="checkbox"/> NGS fusioni (91.36.5 + 91.30.3 x 15)		<i>Spazio riservato al laboratorio</i>	